## ORGANISATION MONDIALE DE LA PROPRIETE INTELL Bureau international





DEMANDE INTERNATIONALE PUBLIEE EN VERTU DU TRAITE DE COOPERATION EN MATIERE DE BREVETS (PCT) (51) Classification internationale des brevets 6: WO 99/07836 (11) Numéro de publication internationale: C12N 9/12, 15/54, 15/81 A1 (43) Date de publication internationale: 18 février 1999 (18.02.99) (21) Numéro de la demande internationale: PCT/FR98/01788 (81) Etats désignés: AL, AU, BA, BB, BG, BR, CA, CN, CU, CZ, EE, GE, HR, HU, ID, IL, IS, JP, KG, KP, KR, LC, LK, (22) Date de dépôt international: 11 août 1998 (11.08.98) LR, LT, LV, MG, MK, MN, MX, NO, NZ, PL, RO, SG, SI, SK, SL, TR, TT, UA, US, UZ, VN, YU, ZW, brevet ARIPO (GH, GM, KE, LS, MW, SD, SZ, UG, ZW), brevet eurasien (AM, AZ, BY, KG, KZ, MD, RU, TJ, TM), brevet (30) Données relatives à la priorité: 12 août 1997 (12.08.97) européen (AT, BE, CH, CY, DE, DK, ES, FI, FR, GB, GR, 97/10287 FR

(71) Déposants (pour tous les Etats désignés sauf US): COMMIS-SARIAT A L'ENERGIE ATOMIQUE (CEA) [FR/FR]; 31-33, rue de la Fédération, F-75752 Paris Cedex 15 (FR). INSTITUT CURIE [FR/FR]; 26, rue d'Ulm, F-75248 Paris Cedex 05 (FR). CENTRE NATIONAL DE LA RECHERCHE SCIENTIFIQUE (CNRS) [FR/FR]; 3, rue Michel-Ange, F-75794 Paris Cedex 16 (FR).

(72) Inventeurs; et

- (75) Inventeurs/Déposants (US seulement): FAYE, Gérard [FR/FR]; I Cité du Midi, 5bis, rue du Midi, F-94110 Arcueil (FR). VALAY, Jean, Gabriel [FR/FR]; 195, chemin des Communaux, F-38190 Bernin Cedex 22 (FR), MANN, Carl [US/FR]; 91, avenue Claude Nicolas Ledoux, F-78114 Magny les Hameaux (FR). THURET, Jean-Yves [FR/FR]; 12bis, rue Charles de Gaulle, F-91400 Orsay (FR).
- (74) Mandataires: VIALLE-PRESLES, Marie-José etc.; Cabinet Orès, 6, avenue de Messine, F-75008 Paris (FR).

IE, IT, LU, MC, NL, PT, SE), brevet OAPI (BF, BJ, CF, CG, CI, CM, GA, GN, GW, ML, MR, NE, SN, TD, TG).

#### Publiée

Avec rapport de recherche internationale. Avant l'expiration du délai prévu pour la modification des revendications, sera republiée si des modifications sont reçues.

- (54) Title: KINASE ACTIVATING DEPENDENT CYCLIN PROTEIN KINASES, AND THEIR USES
- (54) Titre: KINASE ACTIVATRICE DES PROTEINE-KINASES CYCLINE DEPENDANTES, ET SES UTILISATIONS

#### (57) Abstract

The invention concerns the family of protein-kinases having the following common characteristics: they are devoid of the consensus pattern GxGx(Y/F)GxV; they have a dependent non-cyclin CAK activity. The inhibitors of the protein-kinases of this family can be used as fungicides.

#### (57) Abrégé

Famille de protéine-kinases possédant les caractéristiques communes suivantes: elles sont dépourvues du motif consensus GxGx(Y/F)GxV, elles possèdent une activité CAK non-cycline dépendante. Des inhibiteurs des protéine-kinases de cette famille peuvent être utilisés en tant que fongicides.

### UNIQUEMENT A TITRE D'INFORMATION

Codes utilisés pour identifier les Etats parties au PCT, sur les pages de couverture des brochures publiant des demandes internationales en vertu du PCT.

						SI	Slovénie
AL	Albanie	ES	Espagne	LS	Lesotho		
. AM	Arménic	Fl	Finlande	LT	Lituanie	SK	Slovaquie
AT	Autriche	FR	France	LU	Luxembourg	SN	Sénégal
AU	Australie	GA	Gabon	LV	Lettonie	SZ	Swaziland
ΑZ	Azerbaïdjan	GB	Royaume-Uni	MC	Monaco	TD	Tchad
BA	Bosnic-Herzégovine	GE	Géorgie	MD	République de Moldova	TG	Togo
вв	Barbade	GH	Ghana	MG	Madagascar	TJ	Tadjikistan
BE	Belgique	GN	Guinée	MK	Ex-République yougoslave	TM	Turkménistan
BF	Burkina Faso	GR	Grèce		de Macédoine	TR	Turquie
BG	Bulgarie	HU	Hongrie	ML	Mali ·	TT	Trinité-et-Tobago
BJ	Bénin	1E	Irlande	MN	Mongolie	UA	Ukraine
BR	Brésil	IL	Israël	MR	Mauritanie	UG	Ouganda
BY	Bélarus	IS	Islande	MW	Malawi	US	Etats-Unis d'Amérique
CA	Canada	IT	Italie	MX	Mexique	UZ	Ouzbékistan
CF	République centrafricaine	JP	Japon	NE	Niger	VN	Viet Nam
CG	Congo	KE	Kenya	NL	Fays-Bas	YU	Yougoslavie
CH	Suisse	KG	Kirghizistan	NO	Norvège	ZW	Zimbabwe
CI	Côte d'Ivoire	KP	République populaire	NZ	Nouvelle-Zélande		
CM	Cameroun		démocratique de Corée	PL	Pologne		
CN	Chine	KR	République de Corée	PT	Portugal		
CU	Cuba	KZ	Kazakstan	RO	Roumanie		
CZ	République tchèque	LC	Sainte-Lucie	RU	Fédération de Russie		
DE	Allemagne	LI	Liechtenstein	SD	Soudan		
DK	Danemark	LK	Sri Lanka	SE	Suède		
EE	Estonie	LR	Libéria	SG	Singapour		

#### KINASE ACTIVATRICE DES PROTEINE-KINASES CYCLINE DEPEN-DANTES, ET SES UTILISATIONS

La présente Invention est relative à une nouvelle kinase de *Candida albicans*, activatrice des protéine-kinases cycline dépendantes, et à ses utilisations.

Les protéine-kinases cycline dépendantes (Cdk) sont des régulateurs du cycle de division cellulaire chez les eucaryotes, essentiels aussi bien au niveau de la transition G1/S que de la transition G2/M du cycle cellulaire. La CDC28 de Saccharomyces cerevisae et la CDC2 de Schizosaccharomyces pombe sont les premières Cdk qui ont été identifiées.

10

15

20

25

30

35

L'activation des Cdk nécessite à la fois la fixation d'une molécule de cycline, et la phosphorylation de la Cdk sur un résidu thréonine conservé, situé dans une région appelée : « boucle T ».

Il a été montré que cette phosphorylation est effectuée par une kinase dénommée : « kinase activatrice des Cdk » (CAK), qui, chez les vertébrés, se présente sous forme d'un hétérotrimère comprenant une sous-unité catalytique dénommée Cdk7, une sous-unité de type cycline, dénommée cycline H, et un facteur MAT-1 [pour revue, cf. SOLOMON, Trends Biochem. Sci. 19, 496-500 (1994)]. Le complexe Cdk7-cycline H est en outre un composant du complexe TFIIH, nécessaire à la transcription basale des gènes par l'ARN polymérase II, et intervient dans la phosphorylation des séquences répétées du domaine carboxy-terminal (CTD) de la grande sous-unité de cette polymérase.

Chez la levure scissipare Schizosaccharomyces pombe, un complexe similaire à Cdk7-cycline H, comprenant une sous-unité catalytique dénommée Crk1, et une cycline régulatrice dénommée Mcs2 a été identifié. Il a été montré que le gène Crk1 était essentiel pour la viabilité cellulaire, et il a été observé in vitro que le complexe

Crk1-Mcs2 était associé à l'activité CAK et à l'activité CTD-kinase [BUCK et al., EMBO J., 14(24), 6173-83 (1995); DAMAGNEZ et al., EMBO J., 14(24), 6164-72, (1995)].

Chez la levure bourgeonnante Saccharomyces cerevisiae, un complexe comprenant une kinase (Kin28) et une cycline (Ccll) respectivement apparentées, au niveau de leur séquence, aux kinases Cdk7 et Crk1, et aux protéines régulatrices cycline H et Mcs2 a également été identifié. Le complexe Kin28-Ccll fait partie du complexe TFIIH et possède une activité CTD-kinase, mais n'intervient pas dans l'activité CAK.

10

15

20

25

30

35

Récemment, les inventeurs ont identifié une kinase responsable de l'activité CAK chez Saccharomyces cerevisiae. Cette kinase a été dénommée CIV1 (CAK in vivo), et le gène correspondant a été dénommé CIV1 (THURET et al., Cell, 86(4), 1996). Ces résultats ont été confirmés par d'autres équipes [KALDIS et al., Cell, 86(4), 553-564 (1996); ESPINOZA et al., Science, 273(5282), 1714-1717 (1996)]. La CAK de Saccharomyces cerevisiae est globalement apparentée à la famille des sérine-thréonine-kinases, et en particulier aux protéine-kinases CDC2 et CDC28, et se précédemment identifiées différencie des CAK d'autres organismes par l'absence du motif conservé riche en glycines GxGx(Y/F)GxV, qui est présent dans la plupart des protéine-kinases, la présence d'insertions de 5 à 29 acides aminés, situées entre les éléments de structure secondaire conservés dans la famille des Cdk, et par le fait que son activité CAK ne nécessite pas son incorporation dans un complexe enzymatique.

L'activité CAK de CIV1 étant essentielle pour la survie et la division cellulaire, les Inventeurs ont entrepris de rechercher s'il existait, chez des levures pathogènes, des gènes homologues à CIV1, codant pour des protéine-kinases possédant une activité CAK. En effet, dans ce cas, l'obtention de moyens de régulation de cette activité, et en particulier d'inhibiteurs, présenterait

5

10

15

20

25

30

un grand intérêt sur le plan industriel ou thérapeutique, principalement pour l'obtention de fongicides.

Dans ce but, les Inventeurs ont d'abord entrepris le criblage de banques d'ADN de la levure pathogène Candida albicans, en utilisant des sondes dérivées des différentes régions du gène CIV1 de Saccharomyces cerevisiae. Cependant, aucune des sondes utilisées n'a permis de détecter la présence de séquences homologues dans le génome de Candida albicans.

Les Inventeurs ont toutefois recherché si Candida albicans possédait éventuellement un analogue fonctionnel de la CAK de Saccharomyces cerevisiae, en cherchant s'il existait chez Candida albicans un ou des gènes capables de restaurer chez Saccharomyces cerevisiae la fonction CAK dans un mutant thermosensible du gène CIVI. Ils sont ainsi parvenus à identifier un gène de Candida albicans capable de complémenter à lui seul la fonction CAK déficiente du mutant.

La séquence de ce gène, dénommé *CaCIV1*, a été déterminée; elle est représentée dans la liste de séquences en annexe sous le numéro SEQ ID NO:1; la séquence de son produit de traduction, dénommé CaCIV1, est représentée sous le numéro SEQ ID NO:2.

La figure 1 représente la comparaison de la séquence d'acides aminés (code 1-lettre) de CaCIV1, avec celle de la CAK de Saccharomyces cerevisiae (dénommée ScCIV1), et avec celle de la kinase CDC28 de Saccharomyces cerevisiae (dénommée ScCDC28). Les résidus conservés chez ScCIV1 et CaCIV1 sont en caractères gras.

Légende des annotations de la figure 1 :

- k = résidu conservé dans la plupart des
  protéine-kinases;
- = résidu souvent présent dans la famille des Cdk ;
- o = résidu toujours rrésent dans la famille des Cdk ;

+ = résidu présent dans la famille des Cdk et
dans ScCIV1;

Structures secondaires : a = hélice  $\alpha$  ; b = feuillet  $\beta$ .

CaCIV1 ne présente au niveau de la séquence globale en acides aminés, qu'une identité de 28% avec la CAK de Saccharomyces cerevisiae, ScCIV1.

5

10

15

20

25

30

35

Cependant, les similitudes constatées entre ScCIV1 et CaCIV1 permettent de définir une famille de kinases, dénommée ci-après CIV1, regroupant des protéines possédant les caractéristiques suivantes :

- elles sont dépourvues du motif GxGx(Y/F)GxV, dans lequel G représente la glycine, x représente un acide aminé quelconque, Y/F représente soit la tyrosine soit la phénylalanine, V représente la valine.

- elles possèdent une activité CAK non-cycline dépendante.

La présente invention englobe les protéinekinases appartenant à la famille CIV1 telle que définie ci-dessus, à l'exception de la CAK ScCIV1 de Saccharomyces cerevisiae.

Selon un mode de réalisation préféré de la présente invention, ladite protéine-kinase est susceptible d'être obtenue à partir d'un ascomycète, avantageusement un hémiascomycète, et de préférence Candida albicans.

Une protéine-kinase conforme à l'invention est par exemple représentée dans la liste de séquences en annexe sous le numéro SEO ID NO:2.

La présente Invention a également pour objet une séquence d'acide nucléique codant pour une protéine-kinase conforme à l'invention.

Une séquence d'acide nucléique conforme à l'invention est par exemple constituée par la séquence SEQ ID NO:1 de la liste de séquences en annexe.

La présente invention a également pour objet des fragments d'acide nucléique d'au moins 18 pb, homologues ou complémentaires d'une séquence d'acide nucléique codant pour une séquence peptidique spécifique de la CAK conforme à l'invention.

Ces fragments peuvent en particulier être utilisés comme sondes d'hybridation, et/ou amorces d'amplification, pour isoler et/cloner à partir de Candida albicans, une séquence d'acide nucléique codant pour une CAK conforme à l'invention.

10

15

20

25

30

35

La présente invention englobe également des fragments d'acide nucléique d'au moins 15 pb, de préférence au moins 18 pb, homologues ou complémentaires d'une séquence d'acide nucléique codant pour une séquence peptidique conservée dans la famille de protéine-kinases définie par la CAK CaCIV1 conforme à l'invention, et la CAK ScCIV1 de Saccharomyces cerevisiae.

Ces fragments peuvent en particulier être utilisés comme sondes d'hybridation, et/ou amorces d'amplification, pour détecter l'existence, chez des organismes autres que Saccharomyces cerevisiae et Candida albicans, de séquences codant pour des kinases apparentées aux CAK CaCIV1 et ScCIV1 et pour isoler et/ou cloner les gènes ainsi identifiés. L'invention englobe également les séquences d'acide nucléique obtenues de la sorte, et les protéine-kinases de la famille des CAK CaCIV1 et ScCIV1 codées par ces séquences.

La présente invention a également pour objet tout vecteur recombinant, et en particulier tout vecteur d'expression, résultant de l'insertion d'au moins une séquence d'acide nucléique conforme à l'invention dans un vecteur approprié. Le choix d'un vecteur approprié peut être effectué aisément par l'homme du métier, parmi les nombreux vecteurs disponibles, selon la cellule-hôte choisie pour multiplier et/ou exprimer un acide nucléique conforme à l'invention.

L'invention englobe également des cellules procaryotes ou eucaryotes transformées par une séquence d'acide nucléique conforme à l'invention. Ces cellules transformées peuvent être utilisées en particulier pour exprimer une kinase conforme à l'invention, par exemple afin de la purifier à partir des cultures cellulaires, par exemple en utilisant des techniques similaires à celles précédemment décrites par les Inventeurs pour la CIV1 de Saccharomyces cerevisiae, (THURET et al., 1996, publication citée ci-dessus), ou bien afin de détecter son activité par un test approprié de viabilité cellulaire.

La mise en évidence par les Inventeurs de l'homologie fonctionnelle des kinases ScCIV1 et CaCIV1 permet d'envisager de nombreuses applications pour cette famille de kinases.

15

20

25

30

35

En particulier, du fait qu'il apparaît que l'activité CAK non cycline-dépendante de cette famille de kinases est essentielle pour la survie et la division cellulaire, des substances inhibitrices de cette activité peuvent être utilisables comme fongicides, soit en tant que médicaments, soit sur le plan industriel.

Par exemple, pour cribler des substances fongicides, telles que des substances actives sur Candida albicans, on mesure l'activité kinase de CaCIV1, ou de l'un de ses homologues fonctionnels constitué par une CAK non cycline-dépendante de la famille CIV1, en présence de chacun des produits dont on souhaite déterminer les propriétés fongicides, et l'on sélectionne les produits ayant un effet inhibiteur sur cette activité.

On peut effectuer un tel criblage en mesurant l'activité kinase d'une CAK de la famille CIV1, en présence d'activateurs ou d'inhibiteurs potentiels à tester. L'activité kinase peut par exemple être mesurée in vitro, soit directement en détectant la phosphorylation d'un peptide ou d'une protéine substrat, par exemple CDC28 ou Cdk2, ou la protéine MBP (myelin basic protein), dans un

mélange réactionnel approprié, soit indirectement, en détectant et/ou mesurant l'activité de la protéine substrat lorsque celle-ci dépend de la phosphorylation.

L'activité kinase peut également être mesurée in vivo, par un test de viabilité cellulaire ; par exemple, l'activité kinase de CaCIV1 peut avantageusement être mesurée dans des cellules d'un mutant de Saccharomyces cerevisiae n'exprimant pas la CAK ScCIV1, transformées par le gène CaCIV1.

10 L'invention englobe également l'utilisation, d'un produit sélectionné comme indiqué ci-dessus pour ses propriétés inhibitrices d'une CAK non cycline-dépendante de la famille CIV1 pour l'obtention d'un fongicide

La présente invention sera mieux comprise à l'aide du complément de description qui va suivre, qui se réfère à un exemple illustrant la mise en évidence de l'activité CAK de CaCIV1, et le clonage du gène correspondant.

#### Exemple:

15

35

La souche de Saccharomyces cerevisiae, CMY975 (génotype CIV1-2 ura3 leu2 trp1 lys2 ade2 ade3) porte une mutation thermosensible du gène CIV1 et, de ce fait, pousse à 24°C, mais pas à 37°C.

Une culture de cette scuche a été transformée par la méthode à l'acétate de lithium [SCHIESTL et GIETZ, Current Genetics, 16, 339-346, (1989)] avec une banque de fragments génomiques Sau3A de Candida albicans clonés dans le site BamHI du vecteur YEp24 (multicopie-URA3) [Botstein et al., Gene 8, 17-24, (1979)].

Les cellules CMY975 sont étalées sur des boîtes contenant un milieu synthétique dépouvu d'uracile, et cultivées à 37°C.

Dix colonies de CMY975 poussant dans ces conditions ont été obtenues. Les plasmides YEp24 contenant des inserts de Candida albicans ont été récupérés à par5

10

15

20

25

30

35

tir de chacune ces colonies, et amplifiés chez Escherichia coli.

La carte de restriction de chacun de ces plasmides a été établie, et a permis de constater que tous les inserts provenaient d'une même région du génome de Candida ablicans. Le séquencage de cette région a permis de mettre en évidence un même cadre ouvert de lecture codant pour une protéine kinase de 339 acides aminés, ce qui montre que les 10 inserts obtenus séparément correspondent à un seul et même gène de Candida albicans. Ce gène a été dénommé CaCIVI.

La séquence de CaCIV1 est représentée dans la liste de séquences en annexe sous le numéro SEQ ID NO:1, et celle de la protéine CaCIV1 est représentée sous le numéro SEQ ID NO: 2. La comparaison de la séquence de la protéine CaCIV1 avec les séquences disponibles sur les bases de données fait apparaître que cette protéine possède seulement 28% d'acides aminés identiques avec la CAK de Saccharomyces cerevisiae ScCIV1, et 24% d'acides aminés identiques avec les Cdk ScCDC28 de Saccharomyces cerevisiae et la CaCDC 28 de Candida albicans.

Un fragment génomique BamHI-ClaI de 3 kb contenant le gène CaCIV1 a été sous-cloné dans le plasmide centromérique TRP1 pRS414 [SIKORSKI et HIETER, Genetics, 122, 19-27 (1989)]. Ce plasmide a été utilisé pour transformer un mutant de Saccharomyces cerevisiae dans lequel la séquence ScCIV1 est délétée du génome et contenant le gène ScCIV1 sur un plasmide réplicatif portant également le gène de sélection URA3 (souche CMY116 du génome ura3 leu2 trp1 lys2 civ1 LEU2/pJG43 (URA3-ScCIV1). Les cellules transformées avec le plasmide pRS414-CaCIV1 sont viables après la contre-sélection et la perte du plasmide pJG43 (URA3-ScCIV1), ce qui confirme que le gène CaCIV1 peut fonctionner à la place du gène essentiel ScCIV1. CaCIV1 code Donc, pour un homologue fonctionnel ScCIV1, et suffit à restaurer l'activité CAK.

#### REVENDICATIONS

- 1) Protéine-kinase, appartenant à la famille dénommée CIV1 définie par les caractéristiques suivantes :
- elle est dépourvue du motif GxGx(Y/F)GxV, dans lequel G représente la glycine, x représente un acide aminé quelconque, Y/F représente soit la tyrosine soit la phénylalanine, V représente la valine;
- elle possède une activité CAK non-cycline 10 dépendante ;
  - à l'exception de la CAK ScCIV1 de Saccharomyces cerevisiae.
  - 2) Protéine-kinase selon la revendication 1, caractérisée en ce qu'elle est susceptible d'être obtenue à partir de Candida albicans.

15

35

- 3) Protéine-kinase selon une quelconque des revendications 1 ou 2, caractérisée en ce qu'elle répond à la séquence représentée dans la liste de séquences en annexe sous le numéro SEQ ID NO:2.
- 4) Acide nucléique codant pour une protéinekinase selon une quelconque des revendications 1 à 3.
  - 5) Vecteur recombinant, résultant de l'insertion d'un acide nucléique selon la revendication 4 dans un vecteur approprié.
- 6) Procédé de criblage de produits fongicides, caractérisé en ce qu'il comprend une étape où l'on mesure l'activité kinase d'une CAK non cycline-dépendante de la famille CIV1 définie dans la revendication 1, en présence de chacun des produits dont on souhaite déterminer les propriétés fongicides, et l'on sélectionne les produits ayant un effet inhibiteur sur cette activité.
  - 7) Utilisation d'un produit sélectionné par le procédé selon la revendication 6 pour l'obtention d'un fongicide.

kinases cdc/cdk	• • • • • •	* + + +	0	× × · · · · · · · · · · · · · · · · · ·	+ · •	+		•
CIV1 (C.a.) CIV1 (S.c.) Cdc28(S.c.) structure	MKLSDYYIDKELIYNSAISDIYTAIDKFNNLPVCLKIVDEDFSLPPHSIHREVLILKTLKPHPNIIEYFNDLKICDDIILVTKLYRYDLSQL MKLDSIDITHCQLVKSTRTARIYRSDTYAIKCLALDPDIPPHNAKFEVSILNKLGNKCKHILPLLESKATDNNDLLLLFPFEE -MSGELANYKRLEKVGEGTYGVVYKALDLRPGQGQRVVALKKIRLESEDEGVPSTAIREISLLKELKDDNIVRLYDIVHSDAHKLYLVFEFLD bbbbbb bbbbbbbbbbbbbbbbbbbbbbbbbbbbbb	LPVCLKIVDED DTYAIRCLALD BYBALKKIRLESE bbbbbbbb	FSLPPHS FDIPPHN DEGVPST	FSLPPHSIHREVLILKTLKPHPNIIEYFNDLKICDDIILVTKLYRYDLSQL PDIPPHNAKFEVSILNKLGNKCKHILPLLESKATDNNDLLLLFPFEE DEGVPSTAIREISLLKELKDDNIVRLYDIVHSDAHKLYLVFEFLD aaaaaaaaaaaaa	PHPNIIE	SYFNDLKICDDI HILPLLESKATI IVRLYDIVHSI bbbbbbbbbbbbbbbbbbbbbbbbbbbbbbbbbbbb	IILVTF TDNNI SDAHF b	-TKLYRYDLSQL DLLLLFPFEE KLYLVFEFLD bbbbbbb
kinases cdc/cdk CIV1 (C.a.) CIV1 (S.c.) Cdc28(S.c.) structure	o+ IEITKYCKRTTR MNLYEFMQMHYKRDRRKKNPY LDLKRYMEGIPK aaaaaaaa	k k  • • • • • • • • • • • • • • • • • •	• IKLMLKSI SLSFFRQI VKKFMMQI aaaaaaaa	k k • • • • • • • • • • • • • • • • • • •	k k ••+++0+ +•0 IIHRDIKPSNIFI IIHRDIKPQNIM ILHRDLKPQNLL bbbb bbbl	k +•o SNIFFARD QNIMLTUNTST QNLLINKD bbbbb	k O •O••+++O•• DITQPIIGDFDICYI VSPKLYIIDFGISYI GNLKLGDFGLARA bbbbbb aaaaa	k O •O••+++O•• •• DITQPIIGDFDICYD VSPKLYIIDFGISYDMAGNLKLGDFGLARAFG bbbbb aaaaa
kinases cdc/cdk cTV1 (C.A.) CTV1 (S.C.) Cdc2B(S.C.) structure	kinases  cdc/cdk  tdc/cdk  tdc/cdc/cdk  tdc/cdk  tdc/cdc/cdk  tdc/cdc/cdc/cdk  tdc/cdc/cdk  tdc/cdc/cdk  tdc/cdc/cdk  tdc/cdc/cdk  tdc/cdc/cdk  tdc/cdc/cdc/cdk  tdc/cdc/cdk  tdc/cdc/cdc/cdk  tdc/cdc/cdc/cdk  tdc/cdc/cdc/cdc/cdk  tdc/cdc/cdc/cdk  tdc/cdc/cdc/cdc/cdc/cdk  tdc/cdc/cdc/cdc/cdk  tdc/cdc/cdc/cdc/cdc/cdc/cdc/cdk  tdc/cdc/cdc/cdc/cdc/cdc/cdc/cdc/cdc/cdc/	k •+ +• O•+••O• YEIDIWSLGIILTGLYS GGVDVWSLLIIISQWFO IGVDTWSIGCIFAEMCN aaaaaaaaaaaaaaaaaaaaaaaaaaaaaaaaaaaa	SENF ORETSRMC NRa	• QSVLVKDDKEL1 RMGHVPAMIDDGSDI KPIF	NDSHVSDI OMNSDGSDE SGDSE1	O O	•••+ IFGTPNLTDFE LGIPSIQKWE	•• IDELFCDEY SEVAQHGSV PDIVYLPD-
kinases cdc/cdk CIV1 (C.a.) CIV1 (S.c.) Cdc28(S.c.) structure	kinases  cdc/cdk  CIV1 (C.a.) NNENLHFKKFNLQKYPRKDWDIILPRCNDDFMKEIFTKMIRYDRSKRITSKEILQLMLD CIV1 (S.c.) DAFVGMFGADGDGKYVLDQEKDVQISIVERNMPRLDEIADVKVKQKFINCILGMVSFSPNERWSCQRILQELKP Cdc28(S.c.)FKPSFPQ-WRRKDLSQVVPSLDPRGIDLLDKLLAYDPINRISARRAAIHPYFQ structure	k • • • • • • • • • • • • • • • • • • •	TKMIRYDI LGMVSFSI DKLLAYDI	k + + •• KSKRITSKEILQI PNERWSCORILQE PINRISARRAAIE	•• JMLD SLEKP IPYFQ			

FIGURE 1

#### LISTAGE DE SEQUENCE

<110	VA MA TH CE IN	ALAY, ANN, HURES EA	, Jea Carl	an Ga	íves	el									
<120				rivat Es, E						INAS	ES C	YCLI	NE		
<130	> MJ	JPrm2	263/3	33											
<140 <141															
<150 <151															
<160	> 2														
<170> PatentIn Vers. 2.0															
<210 <211 <212 <213	> 10 > AD	N	da al	lbica	ans					-					
<220 <221 <222	> CE		(1020	))											
<400 atg Met	aag														48
gcc Ala															96
gta Val															144
atc Ile															192
ata Ile 65															240
gtc Val															288
aaa Lys															336
ctt Leu															384

		tta Leu														432
		ggg Gly														480
		gat Asp														528
		tta Leu														576
	-	gta Val 195							-		-	-				624
		aat Asn		_		-		-				_				672
		ggt Gly														720
		gaa Glu														768
		ata Ile		_									-		_	816
		tta Leu 275														864
		aat Asn						-		_		-				912
cct Pro 305	cga Arg	tgc Cys	aat Asn	gat Asp	gat Asp 310	ttc Phe	atg Met	aaa Lys	gaa Glu	att Ile 315	ttt Phe	acc Thr	aag Lys	atg Met	att Ile 320	960
_		gat Asp	_	_		_					-				Leu	1008
-	tta Leu	gat Asp	tga 340													1020
	0> 2 1> 3	39														

<211> 339 <212> PRT

<213> Candida albicans

<400> 2

Met Lys Leu Ser Asp Tyr Tyr Ile Asp Lys Glu Leu Ile Tyr Asn Ser 1 5 10

# RAPPORT DE REHERCHE INTERNATIONALE

PCT/FR 98/01788

A. CLASSE CIB 6	EMENT DE L'OBJET DE LA DEMANDE C12N9/12 C12N15/54 C12N15/8	1	
	issification internationale des brevets (CIB) ou à la fois selon la classif	ication nationale et la CIB	
	NES SUR LESQUELS LA RECHERCHE A PORTE		
CIB 6	ition minimale consultée (système de classification suivi des symboles CO7K C12N	de classement)	
Documenta	tion consultée autre que la documentation minimale dans la mesure o	u ces documents relèvent des domaines s	ur lesquels a porté la recherche
	nnées electronique consultée au cours de la recherche internationale	(nom de la base de donnees, et si realisab	ole, termes de recherche utilisés)
C. DOCUM	ENTS CONSIDERES COMME PERTINENTS		
Catégorie <sup>a</sup>	Identification des documents cités, avec, le cas echéant, l'indication	des passages pertinents	no. des revendications visees
А	THURET J.Y. ET AL.: "Civ1 (CAK in a novel Cdk-activating kinase" CELL, vol. 86, no. 4, 23 août 1996, page 565-576, XP002065325 cité dans la demande voir le document en entier	·	1-5
A	WO 97 16447 A (MITOTIX INC.) 9 ma	i 1997	6,7
Voir	la suite du cadre C pour la fin de la liste des documents	Les documents de familles de bre	vets sont indiqués en annexe
"A" docume ou apre "L" documer priorité autre c "O" docume une exi "P" docume postérie	nt définissant l'état général de la technique, non àré comme particulièrement pertinent nt antérieur, mais publie à la date de dépôt international às cette date nt pouvant jeter un doute sur une revendication de ou cité pour determiner la date de publication d'une station ou pour une raison spéciale (telle qu'indiquée) int se referant à une divulgation orale, à un usage, à position ou tous autres moyens nt publié avant la date de dépôt international, mais eurement à la date de priorité revendiquee	document ulterieur publie après la date de priorite et n'appartenenant pas technique pertinent, mais cité pour cor pui la théorie constituant la base de fin étre conscierée comme nouvelle ou conventive par rapport au document particulièrement pertinent; fir ne paut etre considérée comme impliqué forsque le document et associe à un codocument par ment et associe à un codocument per ment et associe à un codocument personne du metier document pur fait partie de la même fair	s à l'etat de la mprendre le principe invention de la principe invention de la peut principe invention de la peut principe invention de la peut principe invention revendiquée uant une activité inventive pu plusieurs autres inbinaison etant évidente
	ille la recherche internationale a éte effectivement achevee	Date d'expedition du present rapport di	e recherche internationale
	) novembre 1998	07/12/1998	
Nom et adres	office Européen des Brevets, P.B. 5818 Patentlaan 2 NL - 2280 HV Rijswijk Tel. (+31-70) 340-2040, Tx. 31 651 epo ni, Fax: (+31-70) 340-3016	Fonctionnaire autorisé Panzica, G	

1

#### INTERNATIONAL SEARCH REPORT

o n on patent family members

Intermedial Application No PCT/FR 98/01788

	info n on patent famili	y members	PCT7FR	98/01788
Patent document cited in search report	Publication date	Pai m	tent family ember(s)	Publication date
WO 9716447	A 09-05-1997	7 US AU	5733920 A 1116497 A	31-03-1998 22-05-1997
 	٠			
				•

A. CLASS	SIFICATION OF SUBJECT MATTER C12N9/12 C12N15/54 C12N1	15/81 -					
		.0/ 62					
According	to International Patent Classification (IPC) or to both national cla	assification and IPC					
	S SEARCHED						
Minimum d IPC 6	documentation searched (classification system followed by class $C07K-C12N$	ification symbols)					
	ation searched other than minimum documentation to the extent						
	data base consulted during the international search (name of da	ita base and, where practical, search terms use	d)				
C. DOCUM	MENTS CONSIDERED TO BE RELEVANT						
Category *	Citation of document, with indication, where appropriate, of the	ne relevant passages	Relevant to claim No.				
А	THURET J.Y. ET AL.: "Civ1 (CA a novel Cdk-activating kinase" CELL, vol. 86, no. 4, 23 August 1996 565-576, XP002065325 cited in the application		1-5				
	see the whole document						
Α	WO 97 16447 A (MITOTIX INC.) 9	May 1997	6,7				
			-				
Funt	her documents are listed in the continuation of box C.	X =atent family members are listed	in annex.				
Special cat	tegories of cited documents :						
"A" docume conside "E" earlier d filing da "L" documer which is citation	ent defining the general state of the art which is not lered to be of particular relevance document but published on or after the international	The later occument published after the linte or priority date and not in conflict with sited to understand the principle or the invention.  The document of particular relevance; the condition of the considered novel or cannot be considered novel or cannot involve an inventive step when the document of particular relevance; the conditional be considered to involve an involve and the considered to involve an involve and the considered with one or mo	the application but eony underlying the  laimed invention be considered to cument is taken alone laimed invention ventive step when the				
other m "P" docume:	means ant published prior to the international filing date but han the pnority date claimed	ments. Such combination being obvious in the art.  3. document member of the same patent f	us to all person skilled				
	actual completion of the international search	Date of maning of the international sea	<u> </u>				
30	0 November 1998	07/12/1998					
Name and m	nailing address of the ISA  European Patent Office, P.B. 5818 Patentlaan 2  NL - 2280 HV Rijswijk  Tel. (+31-70) 340-2040, Tx. 31 651 epo nl, Fax: (+31-70) 340-3016	Authorized officer					

Ala Ile Ser Asp Ile Tyr Thr Ala Ile Asp Lys Phe Asn Asn Leu Pro Val Cys Leu Lys Ile Val Asp Glu Asp Phe Ser Leu Pro Pro His Ser Ile His Arg Glu Val Leu Ile Leu Lys Thr Leu Lys Pro His Pro Asn Ile Ile Glu Tyr Phe Asn Asp Leu Lys Ile Cys Asp Asp Ile Ile Leu Val Thr Lys Leu Tyr Arg Tyr Asp Leu Ser Gln Leu Ile Glu Ile Thr Lys Tyr Cys Lys Arg Thr Thr Arg Phe Ile Tyr Gly Ile Asn Gly Asn 105 100 Leu Val Ser Asn Gln Tyr Thr Leu Ala Asn Glu Ile Glu Glu Lys Asp 120 Ile Lys Leu Trp Leu Lys Ser Met Ser Ser Gly Leu Glu Phe Ile His 135 Ser Gln Gly Ile Ile His Arg Asp Ile Lys Pro Ser Asn Ile Phe Phe Ala Arg Asp Asp Ile Thr Gln Pro Ile Ile Gly Asp Phe Asp Ile Cys Tyr Asp Leu Lys Leu Pro Pro Lys Asp Glu Pro Pro Met Ala Lys Tyr 185 Ile Asp Val Ser Thr Gly Ile Tyr Lys Ala Pro Glu Leu Ile Leu Gly 200 Ile Thr Asn Tyr Glu Tyr Glu Ile Asp Ile Trp Ser Leu Gly Ile Ile Leu Thr Gly Leu Tyr Ser Glu Asn Phe Gln Ser Val Leu Val Lys Asp Asp Lys Glu Leu Thr Asn Asp Ser His Val Ser Asp Leu Tyr Leu Leu 250 Asn Gln Ile Phe Glu Asn Phe Gly Thr Pro Asr. Leu Thr Asp Phe Glu Asp Glu Leu Phe Cys Asp Glu Tyr Asn Asn Glu Asn Leu His Phe Lys 280 Lys Phe Asn Leu Gln Lys Tyr Pro Arg Lys Asp Trp Asp Ile Ile Leu Pro Arg Cys Asn Asp Asp Phe Met Lys Glu Ile Phe Thr Lys Met Ile Arg Tyr Asp Arg Ser Lys Arg Ile Thr Ser Lys Glu Ile Leu Gln Leu

Met Leu Asp

# RAPPORT DE HERCHE INTERNATIONALE Renseignements relatifs aux membres de familles de brevets

í	e Internationale No
	PCT/FR 98/01788

Document brevet cité au rapport de recherche	Date de publication	Membre(s) de la famille de brevet(s)	Date de publication
WO 9716447 A	09-05-1997	US 5733920 A AU 1116497 A	31-03-1998 22-05-1997

	<u>.</u>		
		,	